différentes de Dnmt1 et Dnmt3a

Diptères, méthyl et transférases. La méthylation est à l'ordre du jour. Après la découverte de l'implication du gène MECP2 (codant pour une protéine se liant aux CpG méthylés) dans le syndrome de Rett* [1, 2] et de celle du gène *DNMT3B* (codant pour une méthyltransférase de novo dans le syndrome ICF** [3] et (m/s 2000, $n^{\circ}1$, p. 105), il est à prévoir que d'autres gènes dont la fonction est liée à la méthylation vont être découverts en pathologie humaine. Rappelons que, chez la souris, Dnmt1 est restée longtemps la seule méthyltransférase clonée. On lui supposait donc une double activité de méthylation : de novo et de maintenance. L'observation, dans les cellules ES (embryonic stem cells) mutantes pour Dnmt1, de la persistance d'une activité de méthylation de novo renforça ensuite l'hypothèse émise par Riggs [4] de l'existence de méthyltransférases spécifiques, différentes pour chacune de ces activités. Cette hypothèse fut confirmée récemment par la caractérisation de Dnmt3a [5]. Une étude comparative originale entre les méthyltransférases dnmt1 et dnmt3a vient d'être réalisée chez la drosophile [6]. Ce diptère est dépourvu de 5-méthylcytosine, ce qui facilite la détection de changements de méthylation induits expérimentalement. Chez les drosophiles transgéniques, le transgène est placé sous le contrôle d'un promoteur inductible par GAL-4, la séquence activatrice en amont ou UAS (pour upstream activating sequence). Des drosophiles UAS-Dnmt (codant pour Dnmt1) et UAS-Dnmt3a (codant pour Dnmt3a) ont été créées. Seule des deux, Dnmt3a fonctionne comme une méthyltransférase de novo. Quand elles sont coexprimées, toutefois, Dnmt1 et Dnmt3 coopèrent pour établir et maintenir un profil de méthylation. Les caractéristiques fonctionnelles

[1. Amir RE, et al. Nat Genet 1999; 23: 185-8.]

[2. Gilgenkrantz S. *Med Sci* 1999; 15: 1334-5.]

[3. Xu GL, et al. Nature 1999; 402: 182-91.]

[4. Riggs AD. Cytogenet Cell Genet 1975; 14: 9-25.]

[5. Okano M, et al. Cell 1998; 99: 247-57.]

[6. Lyko F, et al. Nat Genet 1999; 23: 363-6.]

[7. Hsieh. *Mol Cell Biol* 1999; 19: 8211-8.]

[8. Wade PA, et al. Nat Genet 1999; 23: 62-6.]

[9. Tweedie S, et al. Nat Genet 1999; 23: 389-90.]

L'interrupteur marche/arrêt de la production de cytokines. Les lymphocytes T CD8 protègent contre les virus par deux mécanismes principaux: la production de cytokines antivirales et la destruction des cellules infectées. L'activité cytotoxique est limitée aux cellules infectées qui entrent en contact avec les lymphocytes T. En revanche, la production de cytokines a des effets au niveau local et systémique. Outre leur activité antivirale directe, les cytokines sont responsables de la plupart des symptômes classiques d'infection virale et leur production mal contrôlée peut être dangereuse voire mortelle. Une lettre parue dans Nature [1] décrit un mécanisme de contrôle de la production de cytokines par les lymphocytes T CD8. Dans le système bien défini de l'infection par le LCMV (virus de la chorioméningite lymphocytaire) les auteurs montrent que les cytokines ne sont produites in vivo que lorsque les lymphocytes T sont au contact des cellules cibles qui exposent les antigènes viraux à leur surface. Cette production s'arrête immédiatement si les deux types cellulaires se séparent et reprend dès que le contact est rétabli. Dans le même temps, la synthèse et l'accumulation intracellulaire des protéines cytotoxiques de type perforine restent performantes. En limitant la production de cytokines pendant la période de contact avec la cellule infectée, les lymphocytes T CD8 concentrent leurs ressources au site d'infection ce qui réduit les risques d'immunopathologie.

[1. Slifka MK, et al. Nature 1999; 401: 76-8.]



révèlent donc une spécificité de chronologie d'action au cours du développement qui a d'ailleurs pour corollaire la spécificité de séquence de la machinerie de méthylation qui vient d'être récemment décrite [7]. Le fait que, chez la drosophile, la méthylation de l'ADN génomique ait des conséquences fonctionnelles importantes sur le développement (puisque les drosophiles transgéniques *UAS-Dnmt3* meurent presque toutes au stade de nymphe) n'est pas complètement surprenant. Il subsiste, dans le génome de ce diptère, deux gènes codant pour des protéines dont l'une ressemble à une méthyltransférase de la famille DNMT2, et l'autre à une protéine MBD (pour methyl-binding-domain) se liant aux méthyl-CpG [8]. Cette dernière, dMBD2/3 (très proche des protéines MBD2 et MBD3 des mammifères) a son orthologue chez la sauterelle, Acheta domesticus, qui, à la différence de la drosophile, est pourvue de 5-méthylcytosine. Ce substrat, aMBD2/3 est fonctionnel puisqu'il se lie étroitement aux CpG méthylés bien que ses sites de fixation soient différents de ceux des mammifères [9]. En terme d'évolution, la méthylation est donc bien un phénomène ancestral et les organismes dépourvus de la fonction de méthylation l'ont perdue plutôt que de ne l'avoir jamais acquise.

^{*} Encéphalopathie progressive ne touchant que les filles

^{**} Immunodéficience, anomalies chromosomiques et dysmorphie faciale.