RÉFÉRENCES

- 1. Richter CA, Birnbaum LS, Farabollini F, et al, In vivo effects of bisphenol A in laboratory rodent studies. Reprod Toxicol 2007; 24: 199-224.
- 2. Rubin BS, Soto AM. Bisphenol A: perinatal exposure and body weight. Mol Cell Endocrinol 2009; 304: 55-62.
- 3. Trasande L, Attina TM, Blustein J. Association between urinary bisphenol a concentration and obesity prevalence in children and adolescents. JAMA 2012; 308:1113-21.
- 4. Vandenberg LN, Maffini MV, Wadia PR, et al. Exposure to environmentally relevant doses of the xenoestrogen bisphenol-A alters development of the

- fetal mouse mammary gland, Endocrinology 2007: 148:116-27.
- 5. Zalko D. Jacques C. Duplan H. et al. Viable skin efficiently absorbs and metabolizes bisphenol A. Chemosphere 2011: 82: 424-30.
- 6. Welshons WV, Nagel SC, vom Saal FS. Large effects from small exposures. III. Endocrine mechanisms mediating effects of bisphenol A at levels of human exposure. Endocrinology 2006; 147: 56-69.
- 7. Delfosse V, Grimaldi M, Pons JL, et al. Structural and mechanistic insights into bisphenols action provide guidelines for risk assessment and discovery of bisphenol A substitutes. Proc Natl Acad Sci USA 2012:
- 8. Pons JL, Labesse G. @TOME-2: a new pipeline for comparative modeling of protein-ligand complexes. Nucleic Acids Res 2009: 37: W485-91.
- 9. Paris F, Balaguer P, Terouanne B, et al. Phenylphenols, biphenols, bisphenol-A and 4-tert-octylphenol exhibit alpha and beta estrogen activities and antiandrogen activity in reporter cell lines. Mol Cell Endocrinol 2002; 193: 43-9.
- 10. Okada H, Tokunaga T, Liu X, et al. Direct evidence revealing structural elements essential for the high binding ability of bisphenol A to human estrogenrelated receptor-gamma. Environ Health Perspect 2008:116:32-8.

NOUVELLE

Épines dendritiques et traduction locale

Zones de convergence des syndromes de Down et de l'X fragile

Laura Daroles, Isabelle Caillé

Épines dendritiques, traduction locale et déficits intellectuels

Les épines dendritiques sont de petites protrusions des dendrites de certains neurones, sites de (→) Voir la Nouvelle de C. Charrier réception et d'intéet F. Polleux, gration de signaux m/s n° 11, novembre synaptiques $[11] (\rightarrow)$. 2012, page 911 Elles jouent un rôle clé

dans la fonction synaptique et la plasticité neuronale. Des anomalies de la morphologie des épines ont été décrites dans de nombreux syndromes de déficit intellectuel [1], en particulier, dans le syndrome de Down ou trisomie 21, et le syndrome de l'X fragile, les deux formes de retards mentaux d'origine génétique les plus répandues [12-14].

Les épines dendritiques possèdent une machinerie de traduction qui leur est propre, ce qui permet la traduction locale de certains ARNm à l'échelle synaptique. Ce processus de traduction locale est essentiel aux modifications synaptiques qui sont à la base de l'apprentissage et de la mémoire [2].

Des dysfonctionnements de la traduction locale synaptique ont été impliqués dans certaines formes de déficits intellectuels [1]. En particulier, le syndrome de l'X fragile est dû à l'extinction du gène FMR1 codant pour la fragile X mental retardation protein (FMRP). FMRP est un régulateur clé de la traduction locale et son absence provoque des défauts de la traduction de certains ARNm synaptiques entraînant des défauts de plasticité synaptique et de morphogenèse des épines [3,12].

Le syndrome de Down résulte de la présence d'une troisième copie du chromosome 21 dans les cellules, entraînant la surexpression des gènes qu'il porte. Cette maladie se caractérise par des anomalies touchant de nombreux systèmes avec des défauts cognitifs particulièrement marqués. De manière similaire au syndrome de l'X fragile, ces anomalies s'accompagnent de défauts de la morphologie des épines et de la plasticité synaptique [4]. Le gène DSCR1 (Down syndrome critical region 1), locaUMR CNRS 7102, équipe développement et plasticité des réseaux neuronaux, université Pierre et Marie Curie (UPMC). 9, quai Saint Bernard, 75005 Paris, France. laura.daroles@snv.jussieu.fr isabelle.caille@snv.jussieu.fr

lisé sur le chromosome 21, est fortement exprimé dans le cerveau [5]. DSCR1 appartient à la famille des calcipressines, qui inhibent les calcineurines. La surexpression cérébrale de DSCR1 chez des souris transgéniques induit les caractéristiques comportementales et synaptiques du syndrome de Down, ce qui suggère que DSCR1 joue un rôle essentiel dans le déficit intellectuel lié à la pathologie [6, 13]. Cependant, jusqu'à récemment, les mécanismes moléculaires liant DSCR1 au déficit intellectuel demeuraient inconnus. L'article de Wang et al. [7] éclaire ce problème en s'intéressant à la fonction de DSCR1 dans la morphogenèse des épines et la traduction locale.

DSCR1 régule la morphogenèse des épines et interagit avec FMRP

En utilisant des stratégies de perte ou gain de fonction de DSCR1 dans des neurones en culture ou dans le cerveau de souris transgéniques, les auteurs montrent que DSCR1 régule la densité

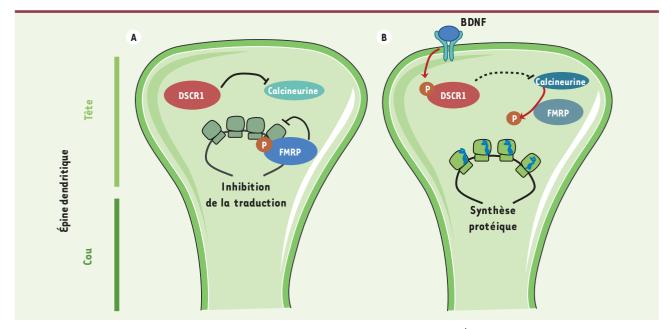


Figure 1. Modèle de la régulation par DSCR1 de la traduction locale induite par le BDNF via FMRP. A. À l'état basal, DSCR1 inhibe l'activité phosphatase de la calcineurine. PhosphoFMRP inhibe la traduction des ARNm présents au niveau des épines. B. Une stimulation par le BDNF induit la phosphorylation de DSCR1, ce qui lève son inhibition sur la calcineurine. Celle-ci, à son tour, déphosphoryle FMRP, levant la répression de FMRP sur la traduction locale.

et la morphologie des épines dendritiques. Une diminution de son expression entraîne une diminution de la densité des épines et de la taille de leur tête. Une augmentation de son expression a l'effet inverse, augmentant la taille de la tête des épines de manière similaire à ce qui est observé dans le syndrome de Down. La cofiline, selon son état de phosphorylation, module la dynamique du cytosquelette d'actine au niveau des épines, ce qui détermine leur taille [8]. Les auteurs observent que le niveau de phosphorylation de la cofiline est corrélé au niveau d'expression de DSCR1. Étant donné que DSCR1 inhibe l'activité de la calcineurine qui, elle-même, déphosphoryle la cofiline, DSCR1 pourrait réguler la morphologie des épines par cette voie.

De manière intéressante, la diminution de l'expression de *FMR1* dans des neurones surexprimant *DSCR1* suffit à rétablir un phénotype sauvage de la morphologie des épines et le niveau de phosphorylation de la cofiline *in vitro* et *in vivo*. Il y a donc une interaction fonctionnelle entre DSCR1 et FMR1.

Les auteurs montrent ensuite, par des expériences d'immunoprécipitation à partir de cellules transfectées et en utiliant le FRET (fluorescence resonance energy transfer) dans des neurones en culture, qu'il existe bien une interaction entre DSCR1 et FMRP, qui semble limitée à la forme phosphorylée de FMRP, forme active pour l'inhibition de la traduction locale.

DSCR1 régule la traduction locale dendritique

Pour tester l'implication de DSCR1 dans la traduction locale et visualiser en temps réel la traduction locale d'un ARN donné au niveau d'une épine unique, les auteurs utilisent un rapporteur de traduction photosensible dans des neurones en culture. Ce « rapporteur » est la protéine fluorescente dendra2 entourée des régions 3' et 5' non traduites de l'ARNm de CamKII α (sous-unité α de la kinase dépendante de la calcium/calmoduline II), un ARNm transporté dans les dendrites et dont la traduction locale est régulée par FMRP et activée par l'application de BDNF (brain derived

neurotrophic factor) [9]. Dans des neurones contrôles, l'étiquette est traduite au niveau des épines après stimulation par le BDNF. En revanche, cette traduction locale du rapporteur ne peut être induite dans des neurones DSCR1-/- et elle est au contraire augmentée dans des neurones surexprimant DSCR1. Ceci suggère que DSCR1 est nécessaire à la traduction locale de CamKIIa.

Enfin, les résultats d'expériences biochimiques in vitro conduisent les auteurs à proposer un modèle mécanistique liant DSCR1 et FMRP dans la régulation de la traduction locale (Figure 1). Dans ce modèle, le BDNF induit la phosphorylation de DSCR1 et une augmentation de l'activité de la calcineurine qui, en déphosphorylant FMRP, permet la levée de son inhibition sur la traduction. Ce modèle moléculaire novateur devra maintenant être confirmé par des expériences testant ces interactions in vivo.

Conclusions

Cette étude met donc en évidence un nouveau rôle de DSCR1 comme régulateur de la morphogenèse des épines et de la traduction locale dendritiques, en interaction avec FMRP. Les syndromes de l'X fragile et de Down partageraient donc des troubles affectant les mêmes voies de signalisation, celles qui régulent la morphologie des épines dendritiques et la synthèse protéique locale.

Ces données s'inscrivent dans un contexte où les dérégulations de la traduction locale synaptique associées à une dysmorphogenèse des épines apparaissent au cœur de la physiopathologie des déficits intellectuels et de l'autisme [1]. Récemment, il a été montré que des souris modèles du déficit intellectuel associé à la sclérose tubéreuse (souris Tsc2+/-) montraient une dérégulation de la traduction locale synaptique qui pouvait être corrigée si l'on croisait ces souris avec des souris FMR1+/- [10]. De manière similaire à ce que décrit l'étude de Wang et al. [7] pour les syndromes de l'X fragile et de Down, ce résultat suggère donc l'intersection des voies de signalisation dérégulées dans le syndrome de l'X fragile et la sclérose tubéreuse. Ce modèle unifié de physiopathologie synaptique est susceptible d'ouvrir de nouvelles perspectives thérapeutiques visant à restaurer des niveaux normaux de traduction locale chez les patients [1, 10]. ◊

Dendritic spines and local protein synthesis contribute to Down and fragile X syndromes

LIENS D'INTÉRÊT

Les auteurs déclarent n'avoir aucun lien d'intérêt concernant les données publiées dans cet article.

RÉFÉRENCES

- 1. Troca-Marin JA, Alves-Sampaio A, Montesinos ML. Deregulated mTOR-mediated translation in intellectual disability. Prog Neurobiol 2012; 96: 268-82.
- 2. Wang DO, Martin KC, Zukin RS. Spatially restricting gene expression by local translation at synapses. Trends Neurosci 2010; 33:173-82.
- 3. Bassell GJ, Warren ST. Fragile X syndrome: loss of local mRNA regulation alters synaptic development and function. Neuron 2008; 60: 201-14.
- 4. Contestabile A, Benfenati F, Gasparini L. Communication breaks-Down: from neurodevelopment defects to

- cognitive disabilities in Down syndrome, Prog Neurobiol 2010; 91: 1-22.
- 5. Fuentes JJ, Genesca L, Kingsbury TJ, et al. DSCR1, overexpressed in Down syndrome, is an inhibitor of calcineurin-mediated signaling pathways. Hum Mol Genet 2000: 9:1681-90.
- 6. Dierssen M, Arque G, McDonald J, et al. Behavioral characterization of a mouse model overexpressing DSCR1/RCAN1. PLoS One 2011: 6: e17010.
- 7. Wang W, Zhu JZ, Chang KT, Min KT. DSCR1 interacts with FMRP and is required for spine morphogenesis and local protein synthesis. EMBO J 2012; 31: 3655-66.
- 8. Cingolani LA, Goda Y. Actin in action: the interplay between the actin cytoskeleton and synaptic efficacy. Nat Rev Neurosci 2008; 9: 344-56.
- 9. Aakalu G, Smith WB, Nguyen N, et al. Dynamic visualization of local protein synthesis in hippocampal neurons, Neuron 2001: 30: 489-502.
- 10. Auerbach BD, Osterweil EK, Bear MF. Mutations causing syndromic autism define an axis of synaptic pathophysiology. Nature 2011; 480: 63-8.
- 11. Charrier C. Polleux F. Rôle de la duplication partielle du gène SRGAP2 dans l'évolution et le développement du cerveau humain. Med Sci (Paris) 2012; 28:911-4.
- 12. Billuart P, Chelly J, Gilgenkrantz S. Retards mentaux liés à l'X. Med Sci (Paris) 2005 ; 21 : 947-53.
- 13. Delabar JM. Syndrome de Down : nouvelles perspectives thérapeutiques ? Med Sci (Paris) 2010; 26:371-6.
- 14. Turleau C. Vekemans M. Trisomie 21:50 ans entre médecine et science. Med Sci (Paris) 2010; 26: 267-72.

NOUVELLE

Rôle du locus H19 dans le placenta

Paul Monnier, Luisa Dandolo

Institut Cochin, Départment de génétique et développement, 24, rue Faubourg Saint-Jacques, 75014 Paris, France. luisa.dandolo@inserm.fr

> Le gène H19 produit un ARN non codant fortement exprimé au cours du développement embryonnaire. Découvert il y a plus de 20 ans [1, 11], il fut, avec le gène voisin *Igf2* (insulin-like growth factor 2), parmi les premiers gènes décrits comme étant soumis à l'empreinte parentale [2, 3], mécanisme épigénétique qui conduit à une expression monoallélique de ces gènes, dépendante de l'origine parentale de l'allèle. Le gène H19 est ainsi exclusivement exprimé à partir de l'allèle hérité de la mère. De fait, ce locus H19-Igf2 a servi de modèle à la compréhension de ce mécanisme épigénétique d'empreinte parentale qui touche environ une centaine de gènes chez l'homme et la souris.

Rôle du gène H19 dans le développement embryonnaire et la tumorigenèse

En dépit du nombre important d'études portant sur ce locus, la fonction précise du gène H19 reste à ce jour encore mal comprise. Il est, chez l'homme, associé aux syndromes de Beckwith-Wiedemann et de Silver-Russell [12], qui sont des syndromes respectivement de surcroissance somatique et de retard de croissance intra-utérin [4]. Il fut également montré in vivo chez la souris que le gène H19 joue un rôle de suppresseur de tumeur [5]. Enfin, toujours chez la souris, une étude a montré que ce gène régule la croissance embryonnaire en contrôlant, par un mécanisme en trans, l'expression d'un réseau de gènes soumis à empreinte parentale (IGN, imprinted